

¹Instituto de Salud Pública.

Facultad de Medicina.

Universidad Austral de Chile.

²Programa Doctorado Ciencias

Médicas, Universidad de La

Frontera. Chile.

³Centro de Estudios Morfológicos

y Quirúrgicos. Universidad de La

Frontera. Chile.

Parcialmente financiado

por la Agencia Nacional de

Investigación y Desarrollo

de Chile (VIU19E0110) y la

Universidad de La Frontera de

Chile (DI19-0030).

Los autores declaran no tener

conflictos de interés.

Recibido el 30 de julio de 2021,

aceptado el 8 de septiembre de

2022.

Correspondencia a:

Dr. Carlos Manterola.

Universidad de La Frontera.

Manuel Montt 112, oficina 408,

Temuco, Chile.

carlos.manterola@ufrofrontera.cl

Distribución espacial de los Genotipos de *Echinococcus granulosus sensu lato* por hospedero en el continente americano. Revisión sistemática

CLAUDIO ROJAS-PINCHEIRA^{1,2}, CARLOS MANTEROLA^{2,3},
NAYELY GARCÍA-MÉNDEZ^{2,3}, ARMANDO TOTOMOCH-SERRA²

Spatial distribution of *Echinococcus granulosus sensu lato* genotypes in the american continent

Background: Knowledge of the distribution cystic is required for its territorial control. **Aim:** To describe the spatial distribution of *Echinococcus granulosus sensu lato* genotypes by host in the American continent. **Material and Methods:** A systematic review of studies from the American continent, related to genotypes of the *E. granulosus s.l* complex were included, including any host species, without restriction of language or year of publication. Sensitive searches were performed based on sensitive searches from PubMed, EMBASE, ScienceDirect, SCOPUS and WoS; SciELO and BIREME-BVS and Trip Database. MeSH and free terms were used, including articles up to December 2020. Cartography was carried out with the Arc Map 10[®] program, using a world geodetic system. Result variables sought were genotype, host, geographic location, year of publication, number of samples, genes used for genotyping. **Results:** From 1123 retrieved studies retrieved, 53 met the inclusion and exclusion criteria. The studies analyzed represent 3,397 samples from humans and animals. Thirty six percent of articles were published in the five-year period 2016-2020. Reports were mainly from Argentina (27.9%), Brazil (20.6%) and Chile (13.2%). The most reported genotypes globally were G1-G3 (47.3%), G7 (15.3%), G5 (14.6%) and G6 (13.3%). A predominance of G1-G3 and G6 genotypes was verified in South America, G8 and G10 in North America, and “epidemiological silence” in Central America and the Caribbean. **Conclusions:** Spatial analysis allows defining the relationship of territories and cases with their own characteristics, which can help to plan control interventions. (Rev Med Chile 2022; 150: 944-957)

Key words: Americas; Echinococcosis; *Echinococcus granulosus*; Genotype; Systematic Reviews as Topic.

La equinocosis quística (EQ) producida por *Echinococcus granulosus* (*E. granulosus*), es una zoonosis parasitaria crónica, generalmente asintomática, que suele diagnosticarse circunstancialmente mediante diversas pruebas; y cuyo tratamiento es predominantemente quirúrgico.

Debido a que se caracteriza por la falta de recursos (financieros, técnicos y humanos) para su control; y, se asocia a pobreza y marginalidad; es considerada una enfermedad desatendida¹; siendo endémica en Chile, Argentina, Uruguay, Brasil, Perú y Bolivia^{2,3}.

Sus descriptivos epidemiológicos suelen ser

imprecisos. La prevalencia e incidencia dan cuenta de egresos hospitalarios o diagnóstico imagenológico; más no representan la totalidad de casos existentes, muchos de ellos subclínicos, que en ocasiones ingresan a las estadísticas sanitarias como hallazgos de necropsia¹.

Otros problemas son su temporalidad y territorialidad desfasada; desconociéndose lugar y momento en que ocurrió la infección³.

Mediante el estudio del genoma mitocondrial (*Cox1* y *Nad1*) del céstodo, se han descrito 10 genotipos nombrados según su hospedero intermediario ideal, que se agrupan como subespecies del complejo *E. granulosus sensu lato* (*E. granulosus s.l.*; lat. en sentido amplio): estos son *E. granulosus sensu stricto* (*E. granulosus s.s.*; G1, G2 y G3); *E. equinus* (G4); *E. ortleppi* (G5); *E. canadensis* (G6, G7, G8, G10); y *E. felidis* (cepa león)⁴.

Por las características genotípicas, fenotípicas y ecológicas de *E. canadensis* se divide en: G6/G7 *E. intermedius* y *E. canadensis* G8 y G10⁵.

La existencia de una variedad de genotipos hace suponer expresiones biológicas y fenotípicas diversas; determinando entre otras cosas, su distribución geográfica, la que es de gran importancia para el conocimiento de la epidemiología local²⁻⁵.

El objetivo de este estudio fue describir la distribución espacial de los genotipos de *E. granulosus s.l.* por hospedero, en el continente americano.

Material y Método

Diseño

Revisión sistemática. Se utilizó la declaración PRISMA⁶.

Criterios de elegibilidad

Se incluyeron estudios primarios relacionados con genotipos del complejo *E. granulosus s.l.* provenientes del continente americano, que incluyeran cualquier especie hospedera; sin restricción de idioma y año de publicación. Se excluyeron editoriales, cartas al director y artículos con descripción ambigua de genotipo, especie hospedera, número de individuos que originaran las muestras, imposibilidad de asociar genotipo descrito con área geográfica.

Fuentes de información

Se revisaron los metabuscadores, bibliotecas y bases de datos: Trip Database, SciELO, BIRE-

ME-BVS, WoS, PubMed, MEDLINE, LILACS, ScienceDirect, EMBASE y Scopus. El cierre de reclutamiento de artículos fue el 30 de diciembre de 2020.

Criterios de búsqueda

Se llevó a cabo utilizando los componentes PECO (población estudio [P], exposición [E], comparador [C] y resultado [O]). Se buscaron estudios relacionados con *E. granulosus s.l.* (P), sin exposición (E), sin comparador (C), en los que se hubiese analizado especie hospedera (O). Se realizaron búsquedas sensibles utilizando términos MeSH (*Echinococcus granulosus*; Echinococcosis; hydatid cyst; Genotype; Américas), y palabras libres (*Echinococcus granulosus sensu lato*; *E. granulosus s.l.*, Latinoamérica); y sus equivalentes en español; así como operadores booleanos AND y OR. Éstas, fueron adaptadas a cada base de datos (Tabla 1). También se realizó una búsqueda de referencias cruzadas.

Selección de estudios

Los documentos identificados fueron filtrados por duplicación entre bases. Posteriormente fueron examinados por título y resumen, aplicando criterios de elegibilidad. Los artículos fueron luego analizados en extenso por dos equipos de revisores independientes. Las situaciones de discrepancia se resolvieron por consenso.

Recolección de datos

La revisión crítica de cada artículo seleccionado, la extracción de datos y su ulterior verificación fue realizada por dos investigadores (CR y CM). Luego, los datos se recogieron en una hoja Excel. Los mapas de caso-evento o de puntos, se realizaron con el programa Arc Map 10®, bajo el sistema geodésico mundial (WGS 1984); en el sistema de coordenadas de grados decimales (X-longitud; Y-latitud), utilizando una capa de distribución del continente americano descrita por Porto (2015)⁷. Para las coordenadas XY se consideró el lugar obtención de muestra y en los casos en que no fue posible, se asignó a la capital regional o del país. Para este fin, se consideró reporte por especie y genotipo, independiente del número de muestras.

Variables estudiadas

Las variables de resultado fueron genotipo, hospedero, y ubicación geográfica por coordena-

Tabla 1. Estrategias de búsqueda utilizadas en bases de datos, bibliotecas y motores de búsqueda

Fuentes de información	Estrategia de búsqueda
PubMed (n = 319)	(((((hydatid cyst) AND Genotype) AND America)) OR (((Echinococcosis) AND Genotype) AND America)) OR (((Echinococcus granulosus) AND Genotype) AND America)
BIREME-BVS (n = 266) MEDLINE = 257 LILACS = 7 BINACIS = 2	tw:(tw:(echinococcus granulosus)) and (tw:("genotipo")) and (tw:("america")) or ((equinococosis) and (genotipo) and (america))
ScienceDirect, EMBASE, SCOPUS (n = 433)	(Echinococcus granulosus) AND (Genotype)
WoS (n = 25)	(Echinococcus granulosus) AND (Genotype)
SciELO (n = 7)	(Echinococcus granulosus) AND (Genotype)
Trip Database (n = 56)	(Echinococcus granulosus) AND (Genotype)

WoS: Web of Sciences.

das XY. Otras variables de interés fueron país de origen del artículo primario, año de publicación, tipo de diseño utilizado, órgano parasitado, número de muestras utilizadas, genes utilizados para genotipificar, número pares de bases.

Estadística

Se aplicó estadística descriptiva con cálculo de porcentajes y promedios.

Análisis adicionales

Por tratarse de una revisión cualitativa, no se realizó metaanálisis.

Aspectos éticos involucrados en la investigación

Con el fin de reducir posibles sesgos en la selección y análisis, se implementó el enmascaramiento de autores y centros de estudio, codificando los artículos primarios y borrando los nombres de autores y centros.

Resultados

Selección de estudios

Se recuperaron 1.123 estudios. De estos, 1.056 fueron eliminados por criterios de exclusión y duplicidad. Por lo tanto, se examinaron 67 artículos por título y resumen. El análisis en profundidad de los estudios seleccionados, determinó la exclusión de 14 estudios. Finalmente, se consideraron 53 estudios para el análisis cualitativo^{2,3,8-10,12,13,15,17,19,21-24,32-38,40-55,57-62,64-72} (Figura 1).

Características de estudios

Todos fueron reportes o series de casos que representan 3.397 muestras provenientes de humanos y animales (Tabla 2).

Síntesis de resultados

La mayor proporción de artículos se publicó entre 2016 y 2020 (35,8%). Los diseños utilizados corresponde a reportes, series de casos y estudios de corte transversal, ninguno con estimación del tamaño de muestra. El mayor número de publicaciones fueron de Argentina, Brasil y Chile (27,9%;

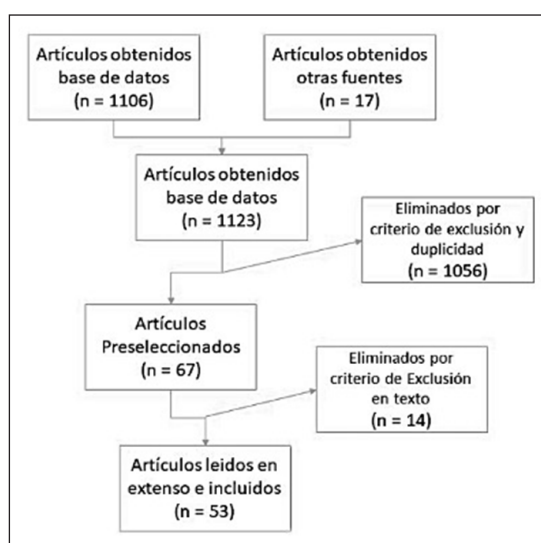
**Figura 1.** Flujograma de estudios considerados en el estudio.

Tabla 2. Resumen de la evidencia de los genotipos de *E. granulosus* s.l.; en 53 reportes de estudios primarios del continente americano

Autores	Año	País	n casos	Especie	Gen Cox1 bp	Gen Nad1 bp	Otro Gen bp	Genotipos descritos
Kinkar ²¹	2018	Argentina	31	Bovinos, Ovinos y Porcinos	11682	-	-	G1-3
Debiaggi ¹⁰	2017	Argentina	21	Humanos	450	500	-	G1-3; G6 y G7
Scioscia ⁵⁰	2017	Argentina	3	<i>Lycalopex gymnocercus</i>	450	-	-	G1-3
Kinkar ⁶⁰	2017	Argentina	1	Bovinos	366	-	-	G1-3
Avila ³⁵	2017	Argentina	58	Humanos, Bovinos, Ovinos, Porcinos y Perros	441	-	-	G1-3; G5; G6 y G7
Souto ⁴⁸	2016	Argentina	12	Perro	-	-	-	G1-3
Laurimäe ²²	2016	Argentina	36	Bovinos, Ovinos y Porcinos	8279	-	-	G1-3
Soriano ⁴⁴	2013	Argentina	36	Bovino, Ovinos, Caprinos, Porcinos	450	-	-	G1-3; G6 y G7
Andresiuk ⁴⁵	2013	Argentina	76	Bovino y Ovino	366	466	Nad2 1271	G1-3 y G5
Soriano ⁸	2010	Argentina	67	Ovino, Caprino, Porcinos y Perro	450	-	-	G1-3; G6 y G7
Andresiuk ⁹	2009	Argentina	22	Bovinos	366	471	-	G1-3
Badaraco ⁴⁰	2008	Argentina	33	Humanos, Bovinos	366	-	Mdh 214	G1-3 y G6
Zanini ⁴⁶	2006	Argentina	62	Ovinos	-	-	-	G1-3
Haag ⁴⁷	2004	Argentina	9	Humanos, Bovino, Ovino, Caprino, Porcinos y Perro	391	-	-	G1-3; G5; G6 y G7
Guarnera ⁴³	2004	Argentina	29	Humanos	NRpB	-	-	G1-3; G5 y G6
López ⁴⁹	2002	Argentina	15	Perro	-	-	-	G5
Kamenetzky ³	2002	Argentina	134	Humanos, Bovinos, Ovinos, Caprinos, Porcinos y Perros	366	-	-	G1-3; G5; G6 y G7
Rosenzvit ⁶⁵	1999	Argentina	33	Humanos, Ovinos, Porcinos	391	471	ITS1	G1-3; G6 y G7
Zhang ⁶⁶	1999	Argentina	33	Humanos, Ovinos, Porcinos	460	-	-	G1-3; G6 y G7
Jarovsky ⁵⁷	2020	Bolivia	1	Humanos	366	-	-	G1-3
Ali ⁵⁸	2020	Bolivia	52	Humanos, Bovino, Ovinos, Porcinos y Perros	1609	-	-	G1-3; G5 y G7
Kamenetzky ³	2002	Bolivia	134	Humanos	366	-	-	G1-3; G5; G6 y G7
Kinkar ²¹	2018	Brasil	14	Bovinos	11682	-	-	G1-3
Das Neves ⁴²	2017	Brasil	65	Perros	366	-	-	G1-3
Addy ³⁴	2017	Brasil	7	Bovinos	1608	894	-	G5
Avila ³⁵	2017	Brasil	169	Bovinos	441	-	-	G1-3 y G5
Urach ³⁶	2016	Brasil	291	Bovinos	366	-	-	G1-3; G5 y G7
Laurimäe ²²	2016	Brasil	9	Bovinos	8279	-	-	G1-3
Monteiro ⁴¹	2014	Brasil	5	Porcinos	366	-	-	G1-3 y G7
Balbinotti ³⁷	2012	Brasil	638	Bovino	444	-	-	G7

De La Rue ³³	2011	Brasil	18	Humanos y Perros	395	-	-	G1-3 y G5
Haag ⁶⁷	2010	Brasil	6	Perros	366	-	-	G1-3 y G5
Maillard ³⁸	2009	Brasil	7	Bovino	-	-	-	G1-3 y G5
Badaraco ⁴⁰	2008	Brasil	171	Ovinos	366	-	Mdh 214	G1-3; G5 y G6
De La Rue ³³	2006	Brasil	40	Bovinos y ovinos	NRpB	-	-	G1-3 y G5
Kamenetzky ³	2002	Brasil	134	Bovinos	366	-	-	G1-3; G5; G6 y G7
Milnes ¹⁵	2018	Canadá	1	<i>Equus przewalskii</i>	-	-	Cest-4 y 5	G4
Schurer ¹²	2018	Canadá	17	Lobos, Coyotes, Zorros Rojos y Zorros del Artico	NRpB	NRpB	-	G8 y G10
Schurer ⁶⁸	2014	Canadá	30	Lobos	-	470	-	G8 y G10
Schurer ¹³	2013	Canadá	108	Alces	-	470	-	G8 y G10
Hernández ⁶²	2019	Chile	1	<i>Hippocamelus bisulcus</i>	1608	471	-	G1-3
Hidalgo ⁶¹	2019	Chile	10	Bovinos y ovinos	1609	-	-	G1-3
Correa ⁶⁹	2018	Chile	61	Bovinos	444	-	-	G1-3 y G5
Kinkar ²¹	2018	Chile	6	Bovino, Ovinos, Caprinos, Porcinos	11682	-	-	G1-3
Kinkar ⁶⁰	2017	Chile	1	Bovinos	366	-	-	G1-3
Laurimäe ²²	2016	Chile	6	Bovinos	8279	-	-	G1-3
Espinoza ⁵⁹	2014	Chile	9	Humanos y Bovinos	446	-	-	G1-3
Manterola ²	2008	Chile	24	Humanos	366	471	-	G1-3 y G6
Kamenetzky ³	2002	Chile	134	Humanos y Bovinos	366	-	-	G1-3; G5; G6 y G7
Ramos ⁷⁰	2020	Ecuador	1	Porcinos	-	-	-	G7
Dell ¹⁷	2020	EE.UU.	4	<i>Alces alces</i> , <i>Bos grunniens</i> y <i>Canis latrans</i>	NRpB	-	-	G8 y G10
Schurer ¹²	2018	EE.UU.	5	Coyotes	NRpB	NRpB	-	G8 y G10
Cerda ⁷¹	2018	EE.UU.	8	Lobos y Alces	-	-	-	G8 y G10
Bowles ⁷²	1994	EE.UU.	1	Ciervo	366	471	-	G8 y G10
Boufana ⁵¹	2015	Falkland	4	Perros	828	-	-	G1-3
Kinkar ²¹	2018	México	1	Porcinos	11682	-	-	G1-3
Laurimäe ²²	2016	México	1	Porcinos	8279	-	-	G1-3
Villalobos ²³	2007	México	6	Porcinos	391	471	-	G1 y G7
Cruz-Reyes ²⁴	2007	México	7	Porcinos	-	-	-	G6 y G7
Maravilla ¹⁹	2004	México	2	Humano y Porcinos	-	-	-	G5 y G7
Boufana ⁵¹	2015	Perú	5	Perros	828	-	-	G1-3
Sánchez ⁵⁴	2012	Perú	12	Porcinos y Alpacas	399	756	-	G1-3 y G7
Sánchez ⁵³	2010	Perú	99	Humanos, Bovinos y Ovinos	450	-	-	G1-3
Moro ⁵⁵	2009	Perú	71	Humanos, Bovino, Ovino, Caprino y Porcinos	789	-	656bp <i>ef1a</i>	G1-3; G6 y G7
Santivañez ⁵²	2009	Perú	21	Humanos	-	-	-	G1-3
Kamenetzky ³	2002	Perú	134	Humanos, Bovinos y Porcinos	366	-	-	G1-3; G5; G6 y G7
Armua-Fernandez ⁴	2014	Uruguay	1	Gato	-	-	rrnS	G1-3
Kamenetzky ³	2002	Uruguay	134	Bovinos	366	-	-	G1-3; G5; G6 y G7

20,6% y 13,2% respectivamente). Los hospederos más frecuente fueron bovinos, humanos y ovinos: 31,6%; 23,5% y 12,4% respectivamente (Tablas 2, 3, 4 y 5).

Las muestras de hospederos intermediarios fueron principalmente de origen hepático y pul-

monar (14,0% y 4,7% respectivamente), siendo común la descripción de ambos órganos (67,4%). En perros, la muestra fecal fue la más frecuente (94,1%); y en caninos silvestres, la recuperación de ejemplares se obtuvo por necropsia (93,3%).

El reporte de fertilidad de quistes estudiados

Tabla 3. Distribución porcentual de genotipos de *E. granulosus* sl. según país de origen; en 53 reportes realizados en el continente americano

País	País % (n)	G1-G3 % (n)	G4 % (n)	G5 % (n)	G6 % (n)	G7 % (n)	G8-G10 % (n)
Argentina	27,9 (19)	36,6 (26)	0	27,3 (6)	50 (10)	34,8 (8)	0
Bolivia	4,4 (3)	7,0 (5)	0	9,1 (2)	5 (1)	8,7 (2)	0
Brasil	20,6 (14)	21,0 (15)	0	40,9 (9)	10 (2)	17,4 (4)	0
Canadá	5,9 (4)	0	100 (1)	0	0	0	46,2 (6)
Chile	13,2 (9)	15,5 (11)	0	9,1 (2)	10 (2)	4,3 (1)	0
Ecuador	1,5 (1)	0	0	0	0	4,3 (1)	0
México	7,4 (5)	4,2 (3)	0	4,5 (1)	5 (1)	13,0 (3)	0
Perú	8,8 (6)	9,9 (7)	0	4,5 (1)	15 (3)	13,0 (3)	0
Uruguay	2,9 (2)	4,2 (3)	0	4,5 (1)	5 (1)	4,3 (1)	0
USA	5,9 (4)	0	0	0	0	0	53,8 (7)
Falkland (UK)	1,5 (1)	1,4 (1)	0	0	0	0	0
Total	100 (68)	100 (71)	100 (1)	100 (22)	100 (20)	100 (23)	100 (13)

Tabla 4. Distribución porcentual de los genotipos de *E. granulosus* sl., según especie hospedadora, en 53 reportes realizados en el continente americano

Especie	G1-G3 % (n)	G4 % (n)	G5 % (n)	G6 % (n)	G7 % (n)	G8-10 % (n)	Total % (n)
Alpaca	0,5 (1)	-	-	-	-	-	0,3 (1)
Bovino	40,2 (80)	-	46,7 (14)	3,0 (1)	9,1 (2)	-	31,6 (97)
Bovino silvestre	-	-	-	-	-	9,1 (2) ^c	0,7 (2)
Caprino	1,0 (2)	-	-	21,2 (7)	-	-	2,9 (9)
Cerdo	5,5 (11)	-	-	3,0 (1)	77,3 (17)	-	9,4 (29)
Cérvido	0,5 (1) ^a	-	-	-	-	31,8 (7) ^d	2,6 (8)
Equino	-	100 (1)	-	-	-	-	0,3 (1)
Gato	0,5 (1)	-	-	-	-	-	0,3 (1)
Humano	22,6 (45)	-	26,7 (8)	57,6 (19)	-	-	23,5 (72)
Ovino	18,1 (36)	-	3,3 (1)	-	4,5 (1)	-	12,4 (38)
Perro	10,1 (20)	-	23,3 (7)	15,2 (5)	9,1 (2)	-	11,1 (34)
Canino silvestre	1,0 (2) ^b	-	-	-	-	59,1 (13) ^e	4,9 (15)
Total	100 (199)	100 (1)	100 (30)	100 (33)	100 (22)	100 (22)	100 (307)

^aHuemul; ^bZorro; ^cMuskox y Yak; ^dAlce, Caribou, Ciervo, Elk y Moose; ^eLobo y Coyote.

Tabla 5. Distribución porcentual de especies hospederas, según país de origen en 53 reportes realizados en el continente americano

País	Humano % (n)	Bovino % (n)	Ovino % (n)	Caprino % (n)	Porcino % (n)	Perro % (n)	Otros % (n)	Total % (n)
Argentina	73,4 (224)	9,3 (137)	47,3 (239)	86,7 (39)	65,8 (106)	39,1 (68)	1,6 (3)	28,7 (816)
Bolivia	1,6 (5)	1,7 (25)	1,4 (7)	-	1,9 (3)	39,1 (68)	-	1,9 (54)
Brasil	2,0 (6)	79,2 (1168)	36,2 (183)	-	3,1 (5)	47,6 (83)	-	50,7 (1.445)
Canadá	-	-	-	-	-	-	85,2 (156)	5,5 (156)
Chile	9,2 (28)	6,03 (89)	0,6 (3)	-	-	-	0,6 (1)	4,2 (121)
Ecuador	-	-	-	-	0,6 (1)	-	-	0,04 (1)
México	0,3 (1)	-	-	-	10,0 (16)	-	-	0,6 (17)
Perú	13,5 (41)	3,7 (55)	14,5 (73)	13,3 (6)	18,6 (30)	2,9 (5)	2,2 (4)	7,5 (214)
Uruguay	-	0,07 (1)	-	-	-	-	0,6 (1)	0,07 (2)
USA	-	-	-	-	-	-	9,8 (18)	0,6 (18)
Falkland	-	-	-	-	-	2,3 (4)	-	0,1 (4)
Total	100 (305)	100 (1475)	100 (505)	100 (45)	100 (161)	100 (174)	100 (183)	100 (2.848)

fue escaso. En algunas descripciones se evidenció uso de protoescole, aunque la viabilidad de estos fue determinada en dos estudios^{8,9}. No es común el reporte de viabilidad de los quistes como indicador de riesgo de transmisión entre hospederos³⁴; esto puede deducirse por el empleo de protoescole en la extracción de ADN.

El gen *Cox1* fue el más utilizado (67,9%); con secuencias de 366, 450 y 391 bp (33,0%, 14,0% y 8,1% respectivamente). *Nad1* fue el segundo más utilizado (22,6%); con secuencias de 471 y 470 (50% y 25% respectivamente). Otros genes utilizados fueron *ITS1*, *NAD2*, *C-est4*, *C-est5* y *ef1a* (11,3%).

La distribución espacial de genotipos se resume en la Figura 2; y por subespecie en las Figuras 3 (G1-3); 4 (G4 y G5) y 5 (G6-G7 y G8-G10).

No se reportó *E. felidis* en el continente americano.

Descripción de la distribución

Los detalles se realizan siguiendo el orden por continentes: Norteamérica, Centroamérica y Sudamérica.

Norteamérica

En Canadá los casos se circunscriben a *E. canadensis* (G8-G10), en un ciclo silvestre entre

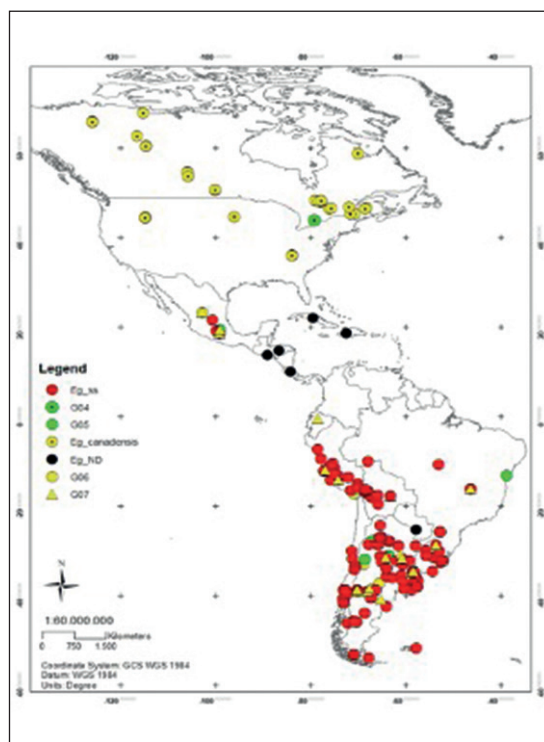


Figura 2. Distribución espacial de los genotipos de *E. granulosus* s.l. en 53 reportes realizados en el continente americano. Eg ss: *E. granulosus sensu stricto*. Eg ND: *E. granulosus* no determinado.

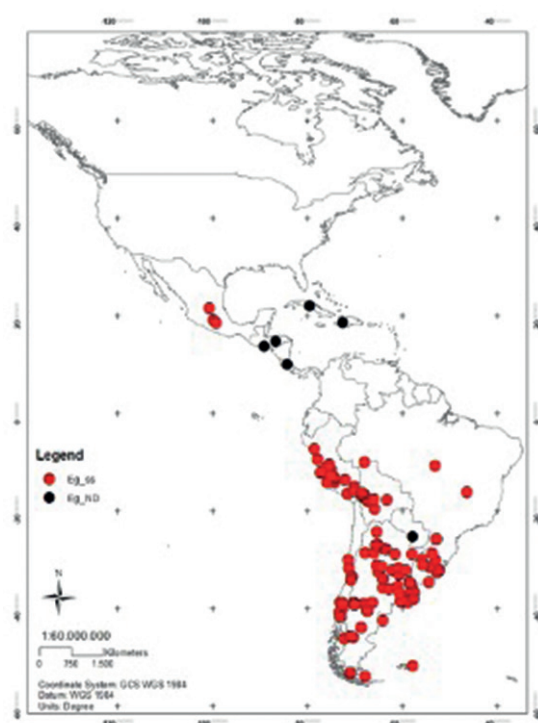


Figura 3. Distribución espacial de *E. granulosus* s.s.; en 53 reportes realizados en el continente americano. Eg ND: *E. granulosus* no determinado.

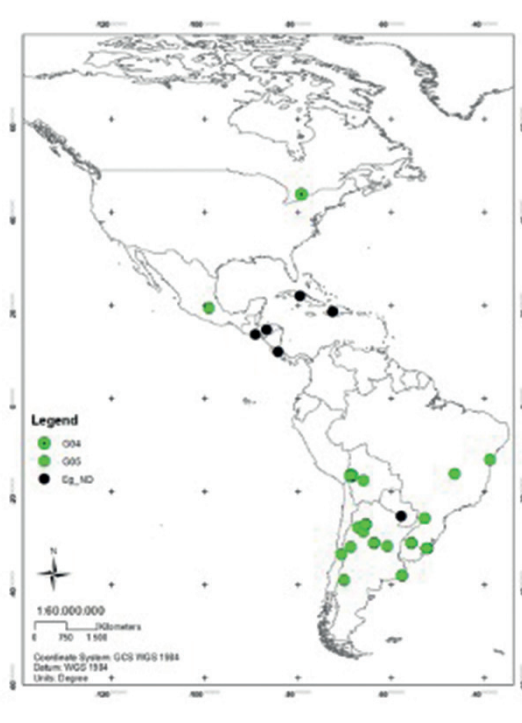


Figura 4. Distribución espacial de *E. equinus* (G4) y *E. ortleppi* (G5); en 53 reportes realizados en el continente americano. Eg ND: *E. granulosus* no determinado.

cérvidos: Caribou, Ciervo, Elk y Moose; bovinos: Muskox y Yak; y caninos salvajes: Lobo, coyote, zorros rojos y del ártico. Se describió G4 en *Equus przewalskii*. En humanos hay descritos casos de G8-G10 en Alaska y Quebec; y sin genotipificar en Manitoba¹¹⁻¹⁴. Se identificó *E. equinus* (G4), en un equino silvestre nacido en cautiverio, y que compartía territorio con zorros y coyotes¹⁵.

En EE.UU., predominó *E. canadensis* (G8-G10), en animales^{12,16,17}; y en humanos de Chicago, Alaska, Arizona y Nuevo México¹⁸.

En México se reportaron casos humanos esporádicos. En 2004 un hombre con G5¹⁹; y en 2011, una mujer sin genotipificar²⁰. Se describió G1-3; G6 y G7 en porcinos²¹⁻²⁴.

Centro América

Existen hospederos intermediarios y definitivos, pero no hay reportes; generando un silencio epidemiológico en Bahamas, Puerto Rico, Antigua y Barbuda, Barbados, Belice, Granada, Guatemala,

Jamaica, Nicaragua, Panamá, República Dominicana, San Cristóbal y Nieves, San Vicente y las Granadinas; Santa Lucía, y Trinidad y Tobago (Figuras 2 a 5).

En Costa Rica, se describió un caso hidatidosis humana; y casos en bovinos y porcinos²⁵.

En Cuba, se describió un caso de EQ en una niña ucraniana^{26,27}.

En El Salvador, se reportó un caso en cerdo²⁸.

En Haití, se reportó prevalencia en perros, porcinos, ovinos, caprinos y bovinos de 25,0%; 5,2%; 2,1%; 1,0% y 0,3% respectivamente²⁹.

En Honduras, se reportó un caso de un hombre con hidatidosis pulmonar³⁰.

Sudamérica

En Uruguay, se operaron por hidatidosis pulmonar 99 niños, pero no fueron genotipificados³¹. Se describió G1-3; G5; G6 y G7 en bovinos^{3,4}; y G1-3 en un gato asociado a virus de inmunodeficiencia felina³².

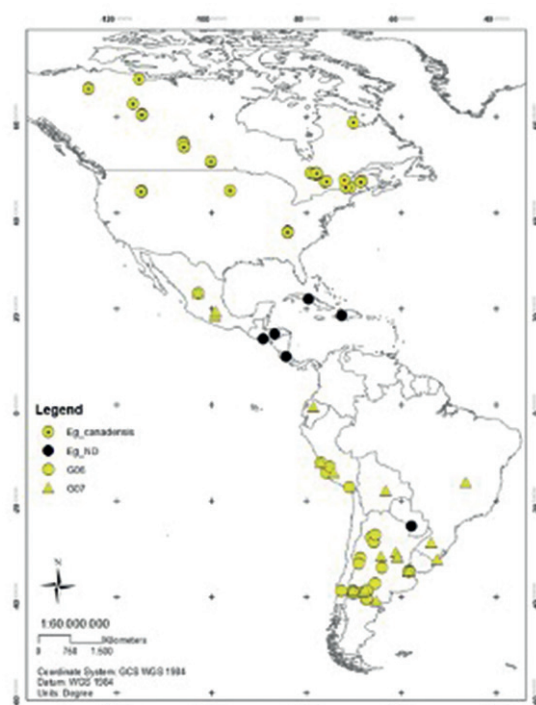


Figura 5. Distribución espacial de *E. intermedius* (G6 y G7) y *E. canadensis* (G8 y G9): en 53 reportes realizados en el continente americano. Eg ND: *E. granulosus* no determinado.

En Brasil, se reportó G1-3 y G5 en humanos³³; G1-3, G5, G6 y G7 en bovinos^{3,34-39}; G1-3, G5, G6 en ovinos^{39,40}; G1-3 y G7 en porcinos⁴¹; y G1-3 y G5 en perros⁴².

Argentina, aportó la principal fuente de artículos, genotipos y territorios descritos. G1-3, G5, G6 y G7 en humanos^{10,35,43}; G1-3; G5 y G6 en bovinos^{9,22,44,45}; G1-3 y G5 en ovinos^{21,22,44-46}; G6 en caprinos⁴⁴; G1-3 y G7 en porcinos^{21,22,47}; y, G1-3, G6 y G5 en perros⁴⁷⁻⁵⁰. Se reportó coinfección de G1 y G7 en una mujer¹⁰.

En Perú, se ha descrito G1-3 en humanos, bovinos, ovinos, porcinos, alpacas y perros^{3,51-54}; G6 en humanos y caprinos⁵⁵ y G7 en porcinos^{54,55}.

En Bolivia se reportó hidatidosis hepática con G1 en una estudiante de intercambio tratada en Massachusetts, EE.UU.⁵⁶. Se ha descrito G1 en humanos, bovinos y ovinos^{3,57}; G5 en bovinos y G7 en porcinos⁵⁸.

En Chile, se han reportado casos de G1-3 en humanos, bovinos, ovinos, caprinos, porcinos y

huemules^{2,22,59-62}; G5 en bovinos²¹ y G6 en humanos^{2,3}.

Una baja tasa de reportes presenta Paraguay (un caso G1 en hidatidosis esplénica⁶³), Ecuador (un caso G7 en porcinos⁶⁴), Islas Falkland (G1-3 en perros⁵¹).

No se encontraron reportes de Colombia, Guyana, Surinam, Venezuela y Guayana Francesa.

Posibles sesgos en el proceso de revisión

La reducción del riesgo de estudios faltantes se realizó mediante búsqueda de referencias cruzadas.

Riesgo de sesgo entre estudios

Se evidenció posible sesgo de publicación, dada la concentración de estudios provenientes de Argentina, y la escasez de estudios de otras áreas (especialmente de Centroamérica).

Discusión

Resumen de la evidencia

Esta RS se basa en la evidencia disponible de la distribución espacial de genotipos de *E. granulosus* s.l. en el continente americano. La información se recuperó de búsquedas ejecutadas en 10 fuentes de información, en los últimos 27 años; representando una compilación de 53 artículos que representan 3397 muestras provenientes de humanos y animales, de diferentes países.

El 35,8% de los artículos fueron publicados en los últimos 5 años; lo que puede estar asociado con el desarrollo permanente de la investigación en EQ. Sin embargo, varios reportes carecen de genotipificación (Figura 2, puntos negros).

La localización anatómica de quistes estaría influenciada por condiciones fisiológicas y de respuesta inmune que cada órgano proporciona^{36,37}; así, quistes pulmonares de alpacas y porcinos suelen ser fértiles, pero los hepáticos en porcinos solo en 50% de los casos⁵⁴. En equinos los quistes hepáticos suelen estar calcificados, y es poco frecuente la localización pulmonar^{73,74}.

Los datos continúan mostrando confiabilidad en la determinación de genotipos utilizando *Cox1* complementado con *Nad1*, pero se evidenció una amplia diversidad en el número de pares de bases consideradas; especialmente con *Cox1*. Por ello, es que se ha de observar con cautela los diagnós-

ticos de G1-3, G6-7, G8 y G10; situación que se ha resuelto parcialmente con el uso de secuencias más amplias.

El análisis por especie respalda que en humanos G1 es el principal y G4 casi no existe. G6 tendrían predilección hepática, pulmonar y cerebral; y G7, baja infectividad^{53,55} y ubicación hepática en 98,6%⁴.

Los cerdos pueden infectarse por G1 y G7 con predilección hepática⁵⁵. Y aunque son diferencias genéticas, morfológicas y de ciclo, ambos pueden desarrollarse también en humanos, causando daños a la salud pública y la industria cárnica^{41,75}.

Los genotipos de *E. granulosus s.l.* se expresaron como fenotipos que explican alta variabilidad intraespecífica en morfología, fisiología, tasa de crecimiento quístico, antigenicidad, tipo de hospederos, y sensibilidad a fármacos antiparasitarios^{53,75}; incluyendo su capacidad de adaptación y distribución geográfica.

El análisis espacial es una herramienta poderosa para el análisis de la variable lugar, permitiendo que las investigaciones en salud tengan una mejor perspectiva de la ocurrencia de eventos de interés^{76,77}. Así, proporcionamos evidencia de la persistencia de EQ en un área endémica, identificando focos de enfermedad, hecho relevante para comprender la ecoepidemiología de la EQ, y así mejorar programas de prevención y vigilancia; lo que puede ayudar a reducir la EQ en humanos y animales^{77,78}. No obstante ello, se requieren estudios para comprender mejor potenciales factores de riesgo en las áreas más identificadas, con la implementación de estudios epidemiológicos en otros huéspedes intermediarios (ganado de abasto), y huéspedes definitivos⁷⁸.

Los hospederos estudiados en Argentina, Brasil, Chile, Perú y Uruguay, fueron fundamentalmente bovinos (G1-3, y menos frecuente G5 y G6-7^{3,9,28,29,36,41,43-47,49,53,54,62,64,68,69,75} y ovino (G1-3, y menos frecuente G5 y G6-7^{28,29,36,41,49,54,55,62,64,70}), marcando una aparente hegemonía en ganado de abasto de G1-3. La información respecto de caprinos y camélidos es escasa y poco representativa.

Los estudios provenientes de Norteamérica (Canadá y EE. UU.), se orientan fundamentalmente a hospederos silvestres y sus respectivos depredadores, en los que se verificaron exclusivamente G8 y G10^{16,22}.

Los reportes provenientes de Bolivia, Ecuador y México se basan en pocos estudios y de mues-

tras poco representativas para poder comentarlos^{26,28-30,31,67,75} (Tablas 2, 3, 4 y 5).

En una RS sobre genotipos del complejo *E. granulosus s.l.*, en población humana en Europa, en la que incluyeron 51 estudios sobre 29 países, se verificó 76,8% de *E. granulosus s.s.*; 21,7% de G6/7 y G10; 1,2% de G5; y 0,3% de *E. vogeli*. Los puntos geográficos críticos de EQ humana fueron: *E. granulosus s.s.* en el sur y sureste de Europa, G6/7 en Europa Central y Oriental; y G5 en Europa Central y Occidental⁷⁹.

Es fundamental para las estrategias de control, conocer los genotipos circulantes de *E. granulosus s.l.* en el área endémica de interés, permitiendo así, que los sistemas de georreferencia puedan gestionar de forma continua información, presentada como cartografía epidemiológica para su rápida visualización y análisis; facilitando monitoreo, control y posible erradicación.

Conclusiones

La distribución espacial de los genotipos de *E. granulosus s.l.* en el continente americano presenta un patrón marcado. Predominio de G8 y G10 al norte de México; silencio epidemiológico en Centro América; y predominio de G1-3 y G6 en Sudamérica.

El sistema de información georreferenciada permitió plasmar los casos en los territorios a fin de definir con sus propias características; la intervención, monitoreo, control y su posible erradicación.

Referencias

1. OPS. Guía para el desarrollo de planes integrados de acción para la prevención, control y eliminación de las enfermedades infecciosas. Guía para el desarrollo de planes integrados para la prevención, control y eliminación de las enfermedades infecciosas desatendidas. Washington, D.C.; 2011.
2. Manterola C, Benavente F, Melo A, Vial M, Roa JC. Description of *Echinococcus granulosus* genotypes in human hydatidosis in a region of southern Chile. *Parasitol Int* 2008; 57 (3): 342-6.
3. Kamenetzky L, Gutierrez AM, Canova SG, Haag KL, Guarnera EA, Parra A, et al. Several strains of *Echinococcus granulosus* infect livestock and humans in Argentina. *Infect Genet Evol* 2002; 2 (2): 129-36.

4. Cucher MA, Macchiaroli N, Baldi G, Camicia F, Prada L, Maldonado L, et al. Cystic echinococcosis in South America: systematic review of species and genotypes of *Echinococcus granulosus sensu lato* in humans and natural domestic hosts. *Trop Med Int Health* 2016; 21 (2) :166-75.
5. Thompson RCA. The Molecular Epidemiology of Echinococcus Infections. *Pathogens* 2020; 9 (6): 453.
6. Moher D, Liberati A, Tetzlaff J, Altman DG. Preferred reporting items for systematic reviews and meta-analyses: the PRISMA statement. *J Clin Epidemiol* 2009; 62 (10): 1006-12.
7. Porto C. America. Basado en capas de Environmental Systems Research Institute (ESRI). Porlamar, Venezuela: Orogénesis Soluciones Geográficas; 2015. Disponible en: <http://tapiquen-sig.jimdo.com>.
8. Soriano SV, Pierangeli NB, Pianciola L, Mazzeo M, Lazzarini LE, Saiz MS, et al. Molecular characterization of Echinococcus isolates indicates goats as reservoir for Echinococcus canadensis G6 genotype in Neuquén, Patagonia Argentina. *Parasitol Int* 2010; 59 (4): 626-8.
9. Andresiuk MV, Ponce Gordo F, Cuesta Bandera C, Elisondo MC, Dopchiz M, Denegri G. *Echinococcus granulosus*: Biological comparison of cattle isolates from endemic regions of Argentina and Spain. *Rev Argent Microbiol* 2009; 41 (4): 218-25.
10. Debiaggi MF, Soriano SV, Pierangeli NB, Lazzarini LE, Pianciola LA, Mazzeo ML, et al. Genetic characterization of human hydatid cysts shows coinfection by Echinococcus canadensis G7 and Echinococcus granulosus sensu stricto G1 in Argentina. *Parasitol Res.* 2017; 116 (9): 2599-604.
11. Schurer JM, Rafferty E, Farag M, Zeng W, Jenkins EJ. Echinococcosis: An Economic Evaluation of a Veterinary Public Health Intervention in Rural Canada. Budke CM, editor. *PLoS Negl Trop Dis.* 2015; 9 (7): e0003883.
12. Schurer JM, Bouchard E, Bryant A, Revell S, Chavis G, Lichtenwalner A, et al. Echinococcus in wild canids in Québec (Canada) and Maine (USA). Tamarozzi F, editor. *PLoS Negl Trop Dis* 2018; 12 (8): e0006712.
13. Schurer J, Shury T, Leighton F, Jenkins E. Surveillance for Echinococcus canadensis genotypes in Canadian ungulates. *Parasites Wildl* 2013; 2: 97-101.
14. Grocholski S, Agabawi S, Kadkhoda K, Hammond G. *Echinococcus granulosus* hydatid cyst in rural Manitoba, Canada: Case report and review of the literature. *IDCases* 2019;18:e00632.
15. Milnes E, Delnatte P, Dutton CJ, Brouwer E, Cai HY, Smith DA, et al. Echinococcus equinus hydatid cyst in the liver of a przewalski's horse (Equus przewalskii) in a canadian zoo. *J Zoo Wildl Med.* 2018; 49 (4): 1047-50.
16. Cerda J, Valdivia G. John Snow, la epidemia de cólera y el nacimiento de la epidemiología moderna. *Rev Chil Infectol* 2007; 24 (4): 331-4.
17. Dell B, Newman SJ, Purple K, Miller B, Ramsay E, Donnell R, et al. Retrospective investigation of Echinococcus canadensis emergence in translocated elk (Cervus canadensis) in Tennessee, USA, and examination of canid definitive hosts. *Parasit Vectors* 2020; 1-8.
18. Taxy JB, Gibson WE, Kaufman MW. Echinococcosis. *Am J Surg Pathol* 2017; 41(1): 94-100.
19. Maravilla P, Andrew Thompson RC, Palacios-Ruiz JA, Estcourt A, Ramirez-Solis E, Mondragon-De-La-Peña C, et al. *Echinococcus granulosus* cattle strain identification in an autochthonous case of cystic echinococcosis in central Mexico. *Acta Trop* 2004; 92 (3): 231-6.
20. Orea-Martínez JG, Pérez-Corro MA, Contreras-Vera RA, Bretón-Márquez JH. Un caso de quiste hidatídico por *Echinococcus granulosus* en Puebla, México, tratado con éxito por cirugía. *Rev Gastroenterol México* 2013; 78 (2): 116-9.
21. Kinkar L, Laurimäe T, Acosta-Jamett G, Andresiuk V, Balkaya I, Casulli A, et al. Global phylogeography and genetic diversity of the zoonotic tapeworm *Echinococcus granulosus sensu stricto* genotype G1. *Int J Parasitol* 2018; 48 (9-10): 729-42.
22. Laurimäe T, Kinkar L, Andresiuk V, Haag KL, Ponce-Gordo F, Acosta-Jamett G, et al. Genetic diversity and phylogeography of highly zoonotic *Echinococcus granulosus* genotype G1 in the Americas (Argentina, Brazil, Chile and Mexico) based on 8279 bp of mtDNA. *Infect Genet Evol.* 2016; 45: 290-6.
23. Villalobos N, González LM, Morales J, de Aluja AS, Jiménez MI, Blanco MA, et al. Molecular identification of *Echinococcus granulosus* genotypes (G1 and G7) isolated from pigs in Mexico. *Vet Parasitol* 2007; 147 (1-2): 185-9.
24. Cruz-Reyes A, Constantine CC, Boxell AC, Hobbs RP, Thompson RCA. *Echinococcus granulosus* from Mexican pigs is the same strain as that in Polish pigs. *J Helminthol* 2007; 81 (3): 287-92.
25. Brenes R, Sousa O, Bonilla M, Achit S. 1st case of human hepatic hydatidosis in Costa Rica. *Rev Cuba Med Trop* 1977; 29 (1): 5-8.
26. Núñez I, Jidy M, Núñez F, Díaz O. *Echinococcus granulosus* infection (hydatid cyst): a case report. *Rev Cuba Med Trop.* 2001; 53 (3): 217-21.
27. Szilágyiová M, Michal L, Cambelová J, Skraciková J. The incidence of antibodies against Echinococcus, Taeniarhynchus, Toxocara, Trichinella and Toxoplasma antigens in citizens of Cuba. *Cas Lek Ces.* 1983; 122 (32-33): 1003-5.

28. Lloret M. First discovery of hydatid cyst in a swine live in El Salvador. Arch Col Med El Salv. 1959; 12: 208-18.
29. Blaise J, Raccourt C. Distomatose hépatobiliaire et échinococcose- hydatidose des animaux domestiques en Haïti. Rev Sci Tech 2007; 26 (3): 741-6.
30. Ferrera de Erazo C, Henríquez de Barahona O. Hidatidosis en tejidos blandos: presentación de caso. Rev méd hondur 1989; 57 (2): 133-7.
31. Sakamoto T, Gutierrez C. Pulmonary complications of cystic echinococcosis in children in Uruguay. Pathol Int. 2005; 55 (8): 497-503.
32. Armua-Fernandez MT, Castro OF, Crampet A, Bartzabal Á, Hofmann-Lehmann R, Grimm F, et al. First case of peritoneal cystic echinococcosis in a domestic cat caused by *Echinococcus granulosus* sensu stricto (genotype 1) associated to feline immunodeficiency virus infection. Parasitol Int. 2014; 63 (2): 300-2.
33. De la Rue ML, Takano K, Brochado JF, Costa C V., Soares AG, Yamano K, et al. Infection of humans and animals with *Echinococcus granulosus* (G1 and G3 strains) and *E. orteppi* in Southern Brazil. Vet Parasitol. 2011; 177 (1-2): 97-103.
34. Addy F, Wassermann M, Banda F, Mbaya H, Aschenborn J, Aschenborn O, et al. Genetic polymorphism and population structure of *Echinococcus orteppi*. Parasitology 2017; 144 (4): 450-8.
35. Avila HG, Santos GB, Cucher MA, Pérez MG, Baldi G, Jensen O, et al. Implementation of new tools in molecular epidemiology studies of *Echinococcus granulosus sensu lato* in South America. Parasitol Int. 2017; 66 (3): 250-7.
36. Urach Monteiro D, de Azevedo MI, Weiblen C, Correia Ribeiro T, Emmanouilidis J, Tonin AA, et al. *Echinococcus granulosus* sensu stricto, *Echinococcus canadensis* (G7), and *Echinococcus orteppi* in fertile hydatid cysts isolated from cattle in Southern Brazil. Acta Trop. 2016; 164: 41-4.
37. Balbinotti H, Santos GB, Badaraco J, Arend AC, Graichen D, Angelo S, Haag KL, et al. *Echinococcus orteppi* (G5) and *Echinococcus granulosus* sensu stricto (G1) loads in cattle from Southern Brazil. Vet Parasitol 2012; 188 (3-4): 255-60.
38. Maillard S, Gottstein B, Haag KL, Ma S, Colovic I, Benchikh-Elfegoun MC, et al. The EmsB tandemly repeated multilocus microsatellite: A new tool to investigate genetic diversity of *Echinococcus granulosus sensu lato*. J Clin Microbiol. 2009; 47 (11): 3608-16.
39. De La Rue ML, Dinkel A, Mackenstedt U, Romig T. New data on *Echinococcus* spp. in Southern Brazil. Rev Inst Med Trop Sao Paulo 2006; 48 (2): 103-4.
40. Badaraco JL, Ayala FJ, Bart JM, Gottstein B, Haag KL. Using mitochondrial and nuclear markers to evaluate the degree of genetic cohesion among *Echinococcus* populations. Exp Parasitol. 2008; 119 (4): 453-9.
41. Monteiro DU, Botton SA, Tonin AA, Azevedo MI, Graichen DAS, Noal CB, et al. *Echinococcus canadensis* (G7) and *Echinococcus granulosus* sensu stricto (G1) in swine of southern Brazil. Vet Parasitol 2014; 202 (3-4): 335-8.
42. Das Neves LB, Teixeira PEF, Silva S, De Oliveira FB, Garcia DD, De Almeida FB, et al. First molecular identification of *Echinococcus vogeli* and *Echinococcus granulosus* (sensu stricto) G1 revealed in feces of domestic dogs (*Canis familiaris*) from Acre, Brazil. Parasit Vectors. 2017; 10 (1): 1-6.
43. Guarnera EA, Parra A, Kamenetzky L, Garc G, Guti A. Cystic echinococcosis in Argentina : evolution of meta-cestode and clinical expression in various *Echinococcus granulosus* strains. Acta Trop. 2004; 92: 153-9.
44. Soriano SV, Pierangeli NB, Pianciola LA, Mazzeo M, Lazzarini LE, Debiaggi MF, et al. The optimum cut-off value to differentiate *Echinococcus granulosus* sensu stricto from other species of *E. granulosus sensu lato* using larval rostellar hook morphometry. J Helminthol. 2015; 89 (1): 1-8.
45. Andresiuk MV, Gordo FP, Saarma M, Elisondo MC, Taraborelli A, Casalongue C, et al. *Echinococcus granulosus* genotype G1 dominated in cattle and sheep during 2003-2006 in Buenos Aires province, an endemic area for cystic echinococcosis in Argentina. Acta Trop. 2013; 127 (2): 136-42.
46. Zanini F, Gonzalo R, Pérez H, Aparici I, Soto X, Guerrero J, et al. Epidemiological surveillance of ovine hydatidosis in Tierra del Fuego, Patagonia Argentina, 1997-1999. Vet Parasitol. 2006; 138 (3-4): 377-81.
47. Haag KL, Ayala FJ, Kamenetzky L, Gutierrez AM, Rosenzvit M. Livestock Trade History, Geography, and Parasite Strains: the Mitochondrial Genetic Structure of *Echinococcus Granulosus* in Argentina. J Parasitol. 2004; 90 (2): 234-9.
48. Souto MG, Sanchez Thevenet P, Basualdo Farjat J. Evaluation of the presence of *Echinococcus granulosus sensu lato* in the environment and in hosts in a region endemic for hydatidosis in the province of Chubut (Argentina). Vet Parasitol Reg Stud Reports. 2016 ;6: 42-6.
49. López R. Identificación de *echinococcus granulosus* cepa vaca(G5) en perros del departamento Belén, Catamarca. Arch Argent Pediatr 2002; 100 (6): 493-6.
50. Scioscia NP, Petrigh RS, Beldomenico PM, Fugassa M, Denegri GM. Reprint of "Survey and first molecular characterization of *Echinococcus granulosus sensu stricto* (G1) in Pampas fox (*Lycalopex gymnocercus*) in Buenos Aires province, Argentina." Acta Trop 2017; 165: 21-5.

51. Boufana B, Lett W, Lahmar S, Griffiths A, Jenkins DJ, Buishi I, et al. Canine echinococcosis: genetic diversity of *Echinococcus granulosus* sensu stricto (s.s.) from definitive hosts. *J Helminthol.* 2015; 89 (6): 689-98.
52. Santivañez SJ, Gutierrez AM, Rosenzvit MC, Muzulin PM, Rodriguez M, Vasquez JC, et al. Human Hydatid Disease in Peru Is Basically Restricted to *Echinococcus*. *Am J Trop Med Hyg* 2008; 79 (1): 89-92.
53. Sánchez E, Cáceres O, Náquira C, García D, Patiño G, Silvia H, et al. Molecular characterization of *Echinococcus granulosus* from Peru by sequencing of the mitochondrial cytochrome C oxidase subunit 1 gene. *Mem Inst Oswaldo Cruz* 2010; 105 (6): 80-10.
54. Sánchez E, Cáceres O, Náquira C, Miranda E, Samudio F, Fernandes O. *Echinococcus granulosus* genotypes circulating in alpacas (*Lama pacos*) and pigs (*Sus scrofa*) from an endemic region in Peru. *Mem Inst Oswaldo Cruz* 2012; 107 (2):275-8.
55. Moro PL, Nakao M, Ito A, Schantz PM, Caverio C, Cabrera L. Molecular identification of *Echinococcus* isolates from Peru. *Parasitol Int* 2009; 58 (2): 184-6.
56. Cabot R, Scully R, Mark E, McNeely W, McNeely B, Weller P, et al. Case records of the Massachusetts General Hospital. Case 45-1987. *N Engl J Med* 1987; 317 (19): 1209-18.
57. Jarovsky D, Brito CR da S, Monteiro DU, Azevedo MI De, Botton SDA, Mimica MJ, et al. Imported hepatopulmonary echinococcosis: first report of *Echinococcus granulosus* sensu stricto (G1) in Bolivia. *Rev Soc Bras Med Trop* 2020; 53: 4.
58. Ali V, Martinez E, Duran P, Seláez MA, Barragan M, Nogales P, et al. *Echinococcus granulosus* sensu stricto, *Echinococcus ortleppi*, and *E. intermedius* (G7) are present in Bolivia. *Parasitology* 2020; 147 (9): 949-56.
59. Espinoza S, Salas AM, Vargas A, Freire V, Diaz E, Sánchez G, et al. Detection of the G3 genotype of *Echinococcus granulosus* from hydatid cysts of Chilean cattle using COX1 and ND1 mitochondrial markers. *Parasitol Res* 2014; 113 (1): 139-47.
60. Kinkar L, Laurimäe T, Sharbatkhori M, Mirhendi H, Kia EB, Ponce-Gordo F, et al. New mitogenome and nuclear evidence on the phylogeny and taxonomy of the highly zoonotic tapeworm *Echinococcus granulosus* sensu stricto. *Infect Genet Evol.* 2017; 52: 52-8.
61. Hidalgo C, Stoore C, Pereira I, Paredes R, Alvares Rojas C. Multiple haplotypes of *Echinococcus granulosus* sensu stricto in single naturally infected intermediate hosts. *Parasitol Res.* 2019; 119 (2): 8.
62. Hernández F, Verdugo C, Cárdenas F, Sandoval R, Morales N, Olmedo P, et al. *Echinococcus Granulosus* in the Endangered Patagonian Huemul (*Hippocamelus bisulcus*). *J Wildl Dis.* 2019; 55 (3): 694.
63. Luraschi Centurión, Víctor; Rodríguez Sosa, Roberto; Figueredo Marín, Belinda; Amarilla Ortiz E. Primary splenic hydatid cyst. *Cir parag.* 2013; 37 (1): 38-9.
64. Ramos-Sarmiento D, Chiluisa-Utreras V. First molecular identification of hydatid tapeworm *Echinococcus granulosus* sensu lato G6/G7 in Ecuador. *J Helminthol.* 2020; 94 :e100.
65. Rosenzvit MC, Zhang LH, Kameneztky L, Canova SG, Guarnera EA, McManus DP. Genetic variation and epidemiology of *Echinococcus granulosus* in Argentina. *Parasitology* 1999; 118: 523-30.
66. Zhang L, Gasser RB, Zhu X, McManus DP. Screening for different genotypes of *Echinococcus granulosus* within China and Argentina by single-strand conformation polymorphism (SSCP) analysis. *Trans R Soc Trop Med. Hyg* 1999; 93 (3): 329-34.
67. Haag KL, Marin PB, Graichen DAS, De La Rue ML. Reappraising the theme of breeding systems in *Echinococcus* : is outcrossing a rare phenomenon? *Parasitology* 2011; 138 (3): 298-302.
68. Schurer JM, Gesy KM, Elkin BT, Jenkins EJ. *Echinococcus multilocularis* and *Echinococcus canadensis* in wolves from western Canada. *Parasitology* 2014; 141 (2): 159-63.
69. Corrêa F, Stoore C, Horlacher P, Jiménez M, Hidalgo C, Alvarez Rojas CA, et al. First description of *Echinococcus ortleppi* and cystic echinococcosis infection status in Chile. Sim RB, editor. *PLoS One* 2018; 13 (5): e0197620.
70. Ramos-Sarmiento D, Chiluisa-Utreras V. First molecular identification of hydatid tapeworm *Echinococcus granulosus* sensu lato G6/G7 in Ecuador. *J Helminthol.* 2020; 94: e100
71. Cerda JR, Ballweber LR. Confirmation of *Echinococcus canadensis* G8 and G10 in Idaho Gray Wolves (*Canis lupus*) and Cervids. *J Wildl Dis.* 2018; 54 (2): 403-5.
72. Bowles J, Blair D, Mcmanus DP. Molecular genetic characterization of the cervid strain (northern form) of *Echinococcus granulosus*. *Parasitology* 1994; 109: 215-21.
73. Sazmand A, Bahari A, Papi A, Otranto D. Parasitic diseases of equids in Iran (1931-2020): a literature review. *Parasit Vectors.* 2020; 13 (1): 586.
74. de Benito-Langa J, Landa-Lavilla B. La hidatidosis: una enfermedad reemergente en determinadas especies. A propósito de la afectación en equinos sacrificados en Barcelona. *Rev Enf Emerg.* 2017; 16 (1): 30-5.
75. Thompson RCA, McManus DP. Towards a taxonomic revision of the genus *Echinococcus*. *Trends Parasitol.* 2002; 18 (10): 452-7.
76. Análisis espacial en epidemiología: revisión de métodos. *Rev Univ Ind Santander Salud* 2018; 50 (4): 358-65.
77. Hombo H, Oyarzo M, Álvarez C, Cuadros N, Hernán-

- dez F, Ward MP, Acosta-Jamett G. Spatial epidemiology of cystic echinococcosis in livestock from a hyper-endemic region in southern Chile. *Vet Parasitol.* 2020; 287: 109258.
78. Bosco A, Alves LC, Cociancic P, Amadesi A, Pepe P, Morgoglione ME, et al. Epidemiology and spatial distribution of *Echinococcus granulosus* in sheep and goats slaughtered in a hyperendemic European Mediterranean area. *Parasit Vectors.* 2021; 14 (1): 421.
79. Casulli A, Massolo A, Saarma U, Umhang G, Santolamazza F, Santoro A. Species and genotypes belonging to *Echinococcus granulosus sensu lato* complex causing human cystic echinococcosis in Europe (2000-2021): a systematic review. *Parasit Vectors.* 2022; 15 (1): 109.